

Jméno diplomanta: Anna Sosnová

Garantující katedra: KKY

Název diplomové práce: A tunable pulse generator in eukaryotic gene systems

	Předmět hodnocení	Nadprůměrné	Průměrné	Podprůměrné
1	Jazyková a grafická úprava	<input type="checkbox"/>	<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>
2	Samostatnost zpracování tématu DP	<input type="checkbox"/>	<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>
3	Vhodnost použitých metod	<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>
4	Způsob zpracování a vyhodnocení	<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>
5	Správnost získaných výsledků	<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>
6	Vlastní přínos	<input checked="" type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>
7		<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>	<input type="checkbox"/>

Doplnění hodnocení, připomínky, dotazy:

V jedné větě, studentka systematicky vytvořila funkční genetickou jednotku, tedy pulzní generátor, která umožňuje modulární nastavení klíčových dynamických charakteristik. Práce se obecně zabývá kompletním systematickým návrhem genetické regulační sítě I1-FFL. Motif I1-FFL je známý jako programovatelný pulzní generátor, který se často vyskytuje v přirozených mikrobiálních systémech v rámci regulace jejich metabolických procesů. Práce vyvíjí I1-FFL jednotku k známé kvasinkové signální dráze. Proto je navržena patřičné seskupení genů a jejich genetické řídicí jednotky. Dále je navržen modulátor, který umožňuje nezávislé ladění časové odezvy. Návrh lze rozdělit na několik vrstev, od schématického návrhu a matematického modelování, po návrh experimentů a způsobu měření.

Studentka úspěšně splnila zadání na všech úrovních. Postupovala nezávisle v sestavení matematických modelů, které se částečně skládají s publikovaných výsledků a navržených redukcí. Na molekulární úrovni zpracovala a vyhodnotila sekundární struktury řídicího RNA, které dále použila v identifikaci významných variant. Sama zrealizovala syntézu genetických systémů a jejich experimentální ověření. Společně výsledky představují velice kompletní zpracování této inženýrské práce.

Otázky:

1. Model byl identifikován postupně, tzn. parametry jednotlivých biochemických reakcí byli vždy co nejvíce zachováni a pouze některé parametry byli uvolněni v následující identifikaci. Výhodou přístupu je mapování genetických změn na očekávané mechanismy. Nevýhodou je horší shoda modelu a experimentálních výsledků. To lze hlavně pozorovat v nepřesnosti modelu u vyšších vstupních hodnot. Jak by jste zlepšila přesnost ale zároveň zachovala návaznost na prvky fyzikálního systému?

Splnění bodů zadání	<input checked="" type="checkbox"/> úplně	<input type="checkbox"/> částečně	<input type="checkbox"/> nesplněno	
Doporučení práce k obhajobě	<input checked="" type="checkbox"/> ano	<input type="checkbox"/> ne		
Celkové hodnocení práce	<input checked="" type="checkbox"/> výborně	<input type="checkbox"/> velmi dobře	<input type="checkbox"/> dobře	<input type="checkbox"/> nevyhověl
Jméno, příjmení, titul vedoucího DP: M.Sc. Daniel Georgiev, Ph.D.				
Pracoviště vedoucího DP: KKY				

14.6.2019

Datum

Podpis