

Průběh obhajoby bakalářské práce:

- motivace práce
- genetiky, kód
- Sangerovo sekvencování, rozdíl oproti Next-generation sekvencování
- konsenzuální sekvence
- problémy identifikace
- hledání slov a různá váha chyb
- odlišnost alel a heterozygotie
- metoda pro identifikaci
- vstupní data
- trimming
- heterozygotní data a tvorba kombinací
- referenční data
- alignment a vidění alely
- validace a verifikace na syntetických datech
- plány do budoucna
- komentáře ve formátu FASTA
- používání varianty BLOSUM₆₂
- velikosti exonů MICA a MICB
- důvod nepoužití lokálního BLAST+
- princip metody BLAST
- srovnání s jinými metodami
- nové mutace

Členové zkušební komise:

Doc. Ing. Jindřich Matoušek, Ph.D.

Ing. Mgr. Josef Psutka, Ph.D.

Ing. Martin Gouběj, Ph.D.

Ing. Libor Jelínek, Ph.D.

Ing. Jakub Královec, Ph.D.

Klasifikace:

..... velmi dobře

Datum obhajoby:

26. srpna 2021